

会议委员会

• Honorary Chair

黄聿教授, 香港城市大学

• General Chairs

俞容山教授, 厦门大学

宋永健教授, 香港中文大学&香港基因组研究所

Sri Krishnan教授, 瑞尔森大学

陈庆锋教授, 广西大学

• Program Chairs

Stephen Kwok-Wing Tsui教授, 香港中文大学

白敦文教授, 台北科技大学

唐继军教授, 中国科学院深圳先进技术研究院

张冰教授, 上海交通大学

• Local Organizing Chair

童梦莎助理教授, 厦门大学

• Publicity Chairs

李晨副教授, 浙江大学

Henry Yang副教授, 新加坡国立大学

郑杰副教授, 上海科技大学

Keynote Speakers



俞容山教授

厦门大学国家健康与医学数据科学
研究院副院长
IEEE高级会员, IET会士

Yasukazu Nakamura教授

日本遗传学研究所
H-index: 66

会议地址

厦门大学翔安校区, 厦门, 中国
地址: 福建省厦门市翔安区翔安南路4221号
网址: <https://xaxq.xmu.edu.cn/>

→特别活动 - 学术参访

1. 厦门大学校园参观
2. 厦门岛文化之旅

联系方式

icbbs@cbees.org
+852-3500-0799 (Headquarter)
+86-28-86528465 (Branch Office)

会议出版

ACM国际会议论文集, 由ACM数据库收录, 被Ei Compendex和Scopus等检索, 并送审CPCI。

出版历史

自2017年以来, ICBBS的论文已由ACM出版在国际会议论文集中, 收录于ACM数字图书馆, 并被Ei Compendex和Scopus检索。

会议主题

I. 生物信息学和计算生物学

基因组学、转录组学和蛋白质组学
序列分析和比对
结构生物信息学
比较基因组学
系统生物学与网络分析
元基因组学与微生物组分析
新一代测序数据分析

II. 生物医学数据分析与可视化

生物医学数据整合与仓储
生物医学数据挖掘和知识发现
生物医学中的可视化和可视分析
生物医学本体论和语义学
临床决策支持系统
预测建模和生物标记物发现
生物医学数据隐私与安全
用于生物医学数据分析的深度学习

III. 医学图像分析和计算机辅助诊断

图像分割与配准
特征提取与模式识别
基于图像的建模与仿真
计算机辅助检测和诊断
放射组学和放射基因组学

IV. 计算药物发现和系统药理学

虚拟筛选和对接
QSAR 和药效学建模
药物再利用和联合疗法
药物基因组学和个性化医疗
药物-靶点相互作用预测
化学信息学与化学生物学

V. 生物医学文本挖掘和自然语言处理

生物医学文本挖掘与信息提取
生物医学文本分类和聚类
命名实体识别和实体链接
生物医学本体开发
生物医学问题解答系统
用于药物发现和不良事件检测的文本挖掘
生物医学知识表示与推理

VI. 转化生物信息学和精准医学

转化研究和从实验室到临床的应用
生物标记物的发现与验证
临床基因组学和转录组学
药物基因组学和药物遗传学
电子病历和数据共享更多会议主题可访问: <http://icbbs.org/cfp.html>

重要日期

截稿日期 (初稿): 2025年06月25日

录用通知: 2025年07月15日

注册截止日期 (终稿): 2025年08月05日

投稿说明

1. 系统投稿

<http://confsys.iconf.org/submission/icbbs2025>

2. 会议邮箱: icbbs@cbees.org

3. 听众注册

<http://confsys.iconf.org/register/icbbs2025>

扫描二维码投稿



Biology and Bioinformatics Society

CENTRO INTERDISCIPLINARE DI RICERCA SU
MANAGEMENT E INNOVAZIONE IN SANITÀ